Roche Sequencing

Roche

NimbleGen

Changing Science. Changing Lives.

Giovedì 26 Novembre 2015, ore 14.00

[*Aula seminari, Edificio Q, Via Giorgieri 5***]**

Francesca Dal Pero di Roche Diagnostics terrà il seminario

Le soluzioni Nimblegen per il sequenziamento di nuova generazione

Nella ricerca scientifica il sequenziamento è diventato un metodo d'elezione per analizzare la complessità del genoma. Oltre a questo, sono stati scoperti altri molteplici modi con cui il DNA influenza i processi biologici, ora è possibile studiare le sequenze di DNA, dei suoi trascritti e la loro regolazione tramite la ricerca epigenetica.
Roche NimbleGen propone una vasta gamma di soluzioni per l'arricchimento di acidi nucleici per il sequenziamento NGS. I prodotti Nimblegen consentono di studiare in modo efficiente l'associazione che la genomica, la trascrittomica e l'epigenomica hanno con le malattie e i processi biologici.

Verranno presentati i sistemi:
SeqCap EZ. Dedicati alla cattura selettiva di sequenze di DNA di interesse, umano o non umano, per la scoperta e la validazione di varianti, con pannelli per l'intero esoma o per specifici geni; presentazione l'ultimo disegno per esoma rilasciato, il MedExome, che consente una migliore identificazione di varianti, riduce i costi di sequenziamento e aumenta le performance dei campioni.
SeqCap EPI. Questi prodotti consentono di studiare le regioni metilate del genoma, identificando in modo efficace metilazioni differenziali, modificazioni epigenetiche nascoste, avere performance superiori grazie alla flessibilità di disegno delle sonde.
SeqCap RNA. Prodotti per l'arricchimento di specifici trascritti, per non perdersi quelli poco espressi, mantenendo l'abbondanza relativa e consentendo così una maggiore efficienza di sequenziamento.

Breve CV di Francesca Dal Pero
Laureata nel 1996 presso l'Università di Padova, responsabile prof. G. Valle.
1998-2008: presso il gruppo del prof. Alberti, Padova, con ricerche sui virus HCV e HBV e conseguenti manifestazioni cliniche sull'uomo.
2001-2004: Dottorato di ricerca in Virologia
2008-2011: Responsabile del servizio di sequenziamento di nuova generazione (NGS) presso BMR Genomics, Padova
2011: Conseguimento Master MABIT in Biotecnologie per l'impresa, presso il CUOA di Altavilla Vic. (VI).
2011-oggi Specialista applicativa per i prodotti di sequenziamento NGS in Roche Diagnostics.
Autrice di 17 pubblicazioni scientifiche.